

Latini Andrea

Nato il 28/07/1991 a Civita Castellana (VT)

FORMAZIONE:

Giugno 2020: Conseguimento del Dottorato di Ricerca in “BIOTECNOLOGIE APPLICATE E MEDICINA TRASLAZIONALE” (XXXII ciclo) presso Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.
Tesi: “Variabilità genomica e di espressione dei microRNA nella Neuropatia Diabetica”

Novembre 2016: Abilitazione all’esercizio della Professione di Biologo Specialista presso Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”

Marzo 2016: Conseguimento Laurea magistrale in Biologia ed Evoluzione Umana (110/110 con lode) presso Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.
Tesi: “Variabilità genetica nella Sindrome di Sjogren primaria: studio di polimorfismi associati con la suscettibilità ed il fenotipo della malattia”

Dicembre 2013: Conseguimento Laurea triennale in Scienze Biologiche (108/110) presso l’Università degli Studi della Tuscia

2010: Maturità scientifica (100/100)

POSIZIONE:

Da Febbraio 2023: Assegnista di ricerca del progetto “Determinanti genetici ed immunologici delle manifestazioni cliniche dell’infezione da SARS-CoV-2” presso il Laboratorio di Genetica Medica, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione, Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.

Biologo in formazione specialistica alla scuola di Specializzazione di Genetica Medica, presso Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.

Cultore della materia delle cattedra di “Pharmacogenomics”, Degree Course in Pharmacy, di “Medical Genetics”, Degree Course in Medicine and Surgery e di “Patologia generale e genetica medica”, corso di laurea in Biotecnologie Mediche, presso Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.

POSIZIONI PRECEDENTI:

Febbraio 2022- Gennaio 2023 : Assegnista di ricerca del progetto “Sviluppo, Caratterizzazione, e Validazione di test predittivi di suscettibilità genetica al COVID-19” presso il Laboratorio di Genetica Medica, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione, Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.

Gennaio 2020 – Dicembre 2022: Assegnista di ricerca del progetto “Biomarcatori genomici ed epigenetici nella neuropatia diabetica” presso il Laboratorio di Genetica Medica, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione, Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.

Novembre 2016 - Ottobre 2019: Dottorando di ricerca in “BIOTECNOLOGIE APPLICATE E MEDICINA TRASLAZIONALE” presso il Laboratorio di Genetica Medica, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione, Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”.

Giugno - Ottobre 2016: Vincitore borsa di studio sul tema “Variabilità genomica dei microRNA circolanti e loro possibile uso come biomarcatori genomici di risposta alla terapia e di rischio di complicanze nel diabete tipo 2” presso il Laboratorio di Genetica Medica, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione, Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”

Novembre 2015 - Marzo 2016: Tesista presso il Laboratorio di Genetica Medica, Dipartimento di Biomedicina e Prevenzione, Università degli Studi di Roma “Tor Vergata”

Gennaio-Marzo 2013: Tirocinio formativo pre-laurea presso laboratorio di analisi cliniche presso U.O.C. Laboratorio analisi Civita Castellana – AUSL Viterbo

ATTIVITÀ SCIENTIFICA:

Studio del contributo genetico ed epigenetico nelle malattie multifattoriali (Sindrome di Sjogren, Lupus Eritematoso Sistemico, Diabete Mellito di tipo 2, Morbo di Crohn, Artrite Reumatoide, Artrite Psoriatice, COVID-19), studi di Farmacogenetica (coinvolgimento della componente genetica alla risposta al trattamento farmacologico in termini di efficacia e di tossicità). L'attività scientifica è documentata da 33 pubblicazioni su riviste internazionali peer-reviewed e h-index = 14 (Scopus).

ALTRO:

Guest Editor per lo Special Issue "Autoimmune Connective Tissue Diseases: Pathogenesis and Treatment" per la rivista “Journal of Clinical Medicine” e per lo Special Issue “Role of MicroRNAs and Long Non-Coding RNAs in Sjögren’s Syndrome” per la rivista “Biomedicines”.

Partecipazione al 5° Congresso “INFLAMMATORY BOWEL DISEASE: OPEN DOORS” in qualità di Relatore, con relazione dal titolo: Role of miRNAs in IBD susceptibility". 10 September 2022, Verona.

Vincitore del “Genes 2022 Best Paper Awards” per la pubblicazione COVID-19 and Genetic Variants of Protein Involved in the SARS-CoV-2 Entry into the Host Cells (doi:10.3390/genes11091010)

Vincitore Educational Grant Eli Lilly-SID per la partecipazione al Congresso annuale EASD (European Association for the Study of Diabetes). Dal 16 al 20 Settembre 2019, Barcellona.

Partecipazione al 27° Congresso Nazionale della SID (Società Italiana di Diabetologia) in qualità di Relatore, con relazione dal titolo: “MiRNA e Neuropatia Diabetica”. Dal 16 al 19 Maggio 2018, Rimini.

Vincitore borsa di partecipazione conferenza ESPT 2017 bandita dalla Società Italiana di Medicina Personalizzata. Dal 4 al 7 Ottobre 2017, Catania

PUBBLICAZIONI:

De Benedittis G, **Latini A**, Spallone V, Novelli G, Borgiani P, Ciccacci C. ATG5 gene expression analysis supports the involvement of autophagy in microangiopathic complications of type 2 diabetes. Nutr Metab Cardiovasc Dis. 2023

Murdocca M, Citro G, Centanini E, Giannini R, **Latini A**, Centofanti F, Piano Mortari E, Cocciadiferro D, Novelli A, Bernardini S, Novelli G, Sangiuolo F. COVID-19: S-Peptide RBD 484–508 Induces IFN- γ T-Cell

Response in Naïve-to-Infection and Unvaccinated Subjects with Close Contact with SARS-CoV-2-Positive Patients. Viruses. 2023

Latini A, De Benedittis G, Colafrancesco S, Perricone C, Novelli G, Novelli L, Priori R, Ciccacci C, Borgiani P. *PCSK3 Overexpression in Sjögren's Syndrome Patients May Be Regulated by rs4932178 SNP in Its Promoter Region and Correlates with IFN- γ Gene Expression.* Genes (Basel). 2023

Di Lorenzo F, Marchionni E, Ferradini V, **Latini A**, Pezzoli L, Martino A, Romeo F, Iorio A, Bianchi S, Iacone M, Calò L, Novelli G, Mango R, Sangiuolo F. *DSP-Related Cardiomyopathy as a Distinct Clinical Entity? Emerging Evidence from an Italian Cohort.* Int J Mol Sci. 2023

Centofanti F, Alonzi T, **Latini A**, Spitalieri P, Murdocca M, Chen X, Cui W, Shang Q, Goletti D, Shi Y, Duranti A, Tomino C, Biancolella M, Sangiuolo F, Capobianchi MR, Jain S, Novelli G, Pandolfi PP. *Indole-3-carbinol in vitro antiviral activity against SARS-Cov-2 virus and in vivo toxicity.* Cell Death Discov. 2022

De Benedittis G, **Latini A**, Colafrancesco S, Priori R, Perricone P, Novelli L, Borgiani P, Ciccacci C. *Alteration of Mitochondrial DNA Copy Number and Increased Expression Levels of Mitochondrial Dynamics-Related Genes in Sjögren's Syndrome.* Biomedicines. 2022

Latini A, Vancheri C, Amati F, Morini E, Grelli S, Claudia M, Vita P, Colona VL, Murdocca M, Andreoni M, Malagnino V, Raponi M, Cocciadiferro D, Novelli A, Borgiani P, Novelli G. *Expression analysis of miRNA hsa-let7b-5p in naso-oropharyngeal swabs of COVID-19 patients supports its role in regulating ACE2 and DPP4 receptors.* J Cell Mol Med. 2022

De Benedittis G, **Latini A**, Ciccacci C, Conigliaro P, Triggianese P, Fatica M, Novelli L, Chimenti MS, Borgiani P. *Impact of TRAF3IP2, IL10 and HCP5 Genetic Polymorphisms in the Response to TNF- α Treatment in Patients with Psoriatic Arthritis.* Journal of Personalized Medicine. 2022

De Benedittis G, **Latini A**, Conigliaro P, Triggianese P, Bergamini A, Novelli L, Ciccacci C, Chimenti MS, Borgiani P. *A multilocus genetic study evidences the association of autoimmune-related genes with Psoriatic Arthritis in Italian patients.* Immunobiology. 2022

Spitalieri P, Centofanti F, Murdocca M, Scioli MG, **Latini A**, Di Cesare S, Citro G, Rossi A, Orlandi A, Miersch S, Sidhu SS, Pandolfi PP, Botta A, Sangiuolo F, Novelli G. *Two Different Therapeutic Approaches for SARS-CoV-2 in hiPSCs-Derived Lung Organoids.* Cells. 2022

Latini A, De Benedittis G, Perricone C, Colafrancesco S, Conigliaro P, Ceccarelli F, Chimenti MS, Novelli L, Priori R, Conti F, Ciccacci C, Borgiani P. *VDR Polymorphisms in Autoimmune Connective Tissue Diseases: Focus on Italian Population.* J Immunol Res. 2021

Biancolella M, Ouédraogo NLM, Zongo N, Zohoncon TM, Testa B, Rizzacasa B, **Latini A**, Conte C, Compaore TR, Ouedraogo CMR, Traore SS, Simpore J, Novelli G. *Breast cancer in West Africa: molecular analysis of BRCA genes in early-onset breast cancer patients in Burkina Faso.* Hum Genomics. 2021

Spallone V, Ciccacci C, **Latini A**, Borgiani P. *What Is in the Field for Genetics and Epigenetics of Diabetic Neuropathy: The Role of MicroRNAs.* J Diabetes Res. 2021

De Benedittis G, Ciccacci C, **Latini A**, Novelli L, Novelli G, Borgiani P. *Emerging Role of microRNAs and Long Non-Coding RNAs in Sjögren's Syndrome.* Genes (Basel). 2021

Latini A, Novelli L, Ceccarelli F, Barbati C, Perricone C, De Benedittis G, Conti F, Novelli G, Ciccacci C, Borgiani P. *mRNA expression analysis confirms CD44 splicing impairment in systemic lupus erythematosus patients.* Lupus. 2021

Novelli G, Liu J, Biancolella M, Alonzi T, Novelli A, Patten JJ, Cocciadiferro D, Agolini E, Colona VL, Rizzacasa B, Giannini R, Bigio B, Goletti D, Capobianchi MR, Grelli S, Mann J, McKee TD, Cheng K, Amanat F, Krammer F, Guarracino A, Pepe G, Tomino C, Tandjaoui-Lambiotte Y, Uzunhan Y, Tubiana S, Ghosh J; COVID Human Genetic Effort; French COVID Cohort Study Group; CoV-Contact Cohort,

Notarangelo LD, Su HC, Abel L, Cobat A, Elhanan G, Grzymalski JJ, **Latini A**, Sidhu SS, Jain S, Davey RA, Casanova JL, Wei W, Pandolfi PP. *Inhibition of HECT E3 ligases as potential therapy for COVID-19*. Cell Death Dis. 2021

Latini A, Ciccacci C, Benedittis G, Novelli L, Ceccarelli F, Conti F, Novelli G, Perricone C, Borgiani P. *Altered expression of miR-142, miR-155, miR-499a and of their putative common target MDM2 in systemic lupus erythematosus*. Epigenomics. 2021

Amati F, Vancheri C, **Latini A**, Colona VL, Grelli S, D'Apice MR, Balestrieri E, Passarelli C, Minutolo A, Loddo S, Di Lorenzo A, Rogliani P, Andreoni M, Novelli G. *Expression profiles of the SARS-CoV-2 host invasion genes in nasopharyngeal and oropharyngeal swabs of COVID-19 patients*. Heliyon. 2020

Di Maria E, **Latini A**, Borgiani P, Novelli G. *Genetic variants of the human host influencing the coronavirus-associated phenotypes (SARS, MERS and COVID-19): rapid systematic review and field synopsis*. Hum Genomics. 2020

Latini A, Agolini E, Novelli A, Borgiani P, Giannini R, Gravina P, Smarrazzo A, Dauri M, Andreoni M, Rogliani P, Bernardini S, Helmer-Citterich M, Biancolella M, Novelli G. *COVID-19 and Genetic Variants of Protein Involved in the SARS-CoV-2 Entry into the Host Cells*. Genes (Basel). 2020

Latini A, Borgiani P, De Benedittis G, D'Amato C, Greco C, Lauro D, Novelli G, Spallone V, Ciccacci C. *Mitochondrial DNA copy number in peripheral blood is reduced in Type 2 Diabetes patients with Polyneuropathy and associated with a MIR 499a gene polymorphism* DNA Cell Biol. 2020

Ciccacci C, **Latini A**, Colantuomo A, Politi C, D'Amato C, Greco C, Rinaldi ME, Lauro D, Novelli G, Spallone V, Borgiani P. *Expression study of candidate miRNAs and evaluation of their potential use as biomarkers of diabetic neuropathy*. Epigenomics. 2020

Novelli G, Biancolella M, **Latini A**, Spallone A, Borgiani P, Papaluca M. *Precision Medicine in Non-Communicable Diseases*. High Throughput. 2020

Latini A, Borgiani P, Novelli G, Ciccacci C. *miRNAs in drug response variability: potential utility as biomarkers for personalized medicine*. Pharmacogenomics. 2019

Ciccacci C, **Latini A**, Perricone C, Conigliaro P, Colafrancesco S, Ceccarelli F, Priori R, Conti F, Perricone R, Novelli G, Borgiani P. *TNFAIP3 gene polymorphisms in three common autoimmune diseases: Systemic Lupus Erythematosus, Rheumatoid Arthritis and primary Sjogren Syndrome. Association with diseases susceptibility and clinical phenotypes in Italian patients*. J Immunol Res. 2019

Colafrancesco S, Ciccacci C, Priori R, **Latini A**, Picarelli G, Arienzo F, Novelli G, Valesini G, Perricone C, Borgiani P. *STAT4, TRAF3IP2, IL10, and HCP5 Polymorphisms in Sjögren's Syndrome: Association with Disease Susceptibility and Clinical Aspects*. J Immunol Res. 2019

Latini A, Spallone V, D'Amato C, Novelli G, Borgiani P, Ciccacci C. *A common polymorphism in MIR155 gene promoter region is associated with a lower risk to develop type 2 diabetes*. Acta Diabetol. 2019

Ciccacci C, Perricone C, Alessandri C, **Latini A**, Politi C, Delunardo F, Pierdominici M, Conti F, Novelli G, Ortona E, Borgiani P. *Evaluation of ATG5 polymorphisms in Italian patients with systemic lupus erythematosus: contribution to disease susceptibility and clinical phenotypes*. Lupus. 2018

Ciccacci C, **Latini A**, Greco C, Politi C, D'Amato C, Lauro D, Novelli G, Borgiani P, Spallone V. *Association between a MIR499A polymorphism and diabetic neuropathy in type 2 diabetes*. J Diabetes Complications. 2018

Latini A, Ciccacci C, Novelli G, Borgiani P. *Polymorphisms in miRNA genes and their involvement in autoimmune diseases susceptibility*. Immunol Res. 2017

Ciccacci C, **Latini A**, Politi C, Mancinelli S, Marazzi MC, Novelli G, Palombi L, Borgiani P. *Impact of glutathione transferases genes polymorphisms in nevirapine adverse reactions: a possible role for GSTM1 in SJS/TEN susceptibility*. Eur J Clin Pharmacol. 2017

Ciccacci C, Politi C, Biancone L, **Latini A**, Novelli G, Calabrese E, Borgiani P. *Polymorphisms in MIR122, MIR196A2 and MIR124A genes are associated with clinical phenotypes in Inflammatory Bowel Diseases*. Mol Diagn Ther. 2017

Conigliaro P, Ciccacci C, Politi C, Triggianese P, Rufini S, Kroegler B, Perricone C, **Latini A**, Novelli G, Borgiani P, Perricone R. *Polymorphisms in STAT4, PTPN2, PSORS1C1 and TRAF3IP2 Genes Are Associated with the Response to TNF Inhibitors in Patients with Rheumatoid Arthritis*. PLoS One. 2017

Ciccacci C, Perricone C, Politi C, Rufini S, Ceccarelli F, Cipriano E, Alessandri C, **Latini A**, Valesini G, Novelli G, Conti F, Borgiani P. *A polymorphism upstream MIR1279 gene is associated with pericarditis development in Systemic Lupus Erythematosus and contributes to definition of a genetic risk profile for this complication*. Lupus. 2016